

# VII Symposium Nacional y IV Reunión Iberoamericana de la Simbiosis Micorrízica

---

## **DIV29 Identificación molecular de esporas obtenidas del aislado Zac-19**

Salmerón-Santiago I<sup>1</sup>, Varela-Fregoso L<sup>1</sup>, Ferrera-Cerrato R<sup>2</sup>, Olalde-Portugal V<sup>3</sup>  
, Chávez-Bárceñas A<sup>1</sup>

<sup>1</sup>Facultad de Agrobiología "Presidente Juárez", Universidad Michoacana de San Nicolás de Hidalgo <sup>2</sup>Área de Microbiología de Suelos, Especialidad de Edafología, Instituto de Recursos Naturales Colegio de Postgraduados <sup>3</sup>Laboratorio de Bioquímica Ecológica, Centro de Investigaciones y de Estudios Avanzados del Instituto Politécnico Nacional, Unidad-Irapuato

\*Autor para correspondencia: isaac11001@gmail.com

Zac-19 es un aislado de hongos micorrizógenos arbusculares que se obtuvo en el estado de Zacatecas, la identificación morfológica de sus esporas fue realizada por Chamizo *et al* (1998), quienes encontraron tres morfotipos glomoides: *Glomus diaphanum*, *Glomus clariodes* y *Glomus albidum*. En 1999 se describió una nueva especie por Kennedy *et al*, la cual fue nombrada *Glomus eburneum*, la presencia de esta espora fue reportada también para el estado de Zacatecas y presenta una morfología similar a la reportada por Walker y Rhodes en 1981 como *G. albidum*. Es por ello que en el presente trabajo se planteó efectuar una identificación molecular de los componentes de Zac-19 basada en secuencias de la subunidad pequeña del rDNA (18S) y evaluar las relaciones filogenéticas con otros hongos micorrizógenos arbusculares. Para lo cual se aislaron esporas de las tres morfologías distinguidas en Zac-19 y de cada morfotipo se practicaron varios ensayos de PCR anidada a partir de DNA monospórico. Los primers utilizados para la primera reacción de PCR fueron NS1 y NS4 publicados por White *et al.* (1990), y para la reacción anidada los primers AML1 y AML2 diseñados por Lee *et al.* (2008) para amplificar un fragmento de aproximadamente 800 pb de la subunidad 18S del rDNA de hongos micorrizógenos arbusculares. Se ha encontrado que las secuencias de DNA obtenidas de las esporas que conforman el aislado Zac-19 tienen similitud con secuencias reportadas para los géneros *Diversispora* y *Acaulospora*.